

#### hp120027

#### 最小自由エネルギー経路探索法による 多剤排出トランスポーターの薬剤排出機構の解明

o木寺詔紀<sup>1,2</sup> 寺田透<sup>1,3</sup> 藤崎弘士<sup>1,4</sup> 森次圭<sup>1</sup> 松永康佑<sup>1,5</sup> 池口満徳<sup>1,2</sup>

<sup>1</sup>理研·次世代計算科学

2横浜市立大・生命ナノ

<sup>3</sup>東京大·農学生命

4日本医科大·物理

<sup>5</sup> 理研・AICS

平成25年度「京」を中核とするHPCIシステム利用研究課題 中間報告会 平成25年10月2日~3日 タイム24ビル 東京

# ご説明内容

- •課題の資源利用状況について
  - 配分資源量と消費率
  - 資源利用の内容
- 課題の成果について
  - -研究課題の概要
  - 今期の成果
  - まとめ

#### 課題の資源利用状況について

# 資源利用状況

通期配分資源

- 一般利用枠配分資源量:465万ノード時間
- 平成25年度上期成果創出・加速枠: 200万ノード時間
- 合計: 665万ノード時間
- 今期配分資源
  - 今期配分資源量: 354万ノード時間 (成果創出・加速枠を 含む)

利用状況

入沉	前期	今期
期間	2012年度下半期	2013年度上半期 (8月まで)
配分資源量	157万ノード時間	354万ノード時間
消費率	94.9%	88.6%

# 今期の資源利用の内容

成果創出・加速枠分 (200万ノード時間)

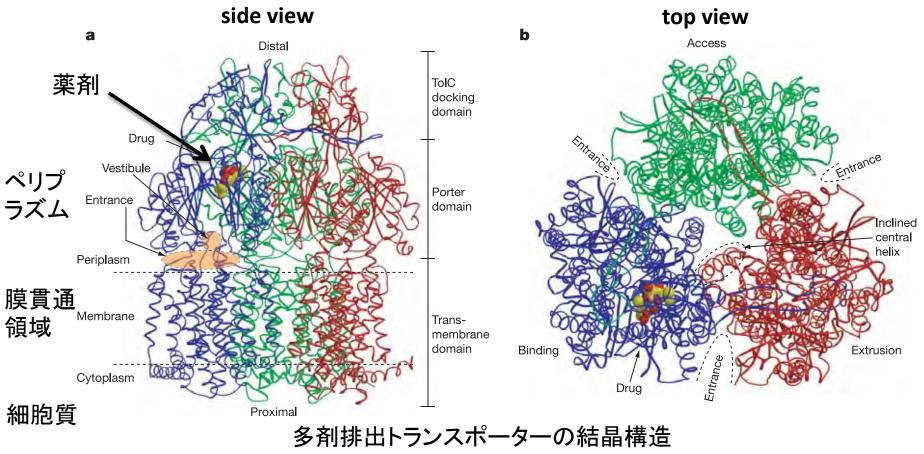
- ・有限温度ストリング法による最小自由エネルギー 経路探索計算 3,600ノード/job × 2個
- jobあたり多剤排出トランスポータ(50万原子)×
   100個を使用して経路を表現
- 一般利用枠分 (154万ノード時間)
  - 経路探索計算でみつかった経路上でのアンブレ ラサンプリング 36ノード/job x 200個
  - 経路上の自由エネルギー変化を定量的に評価

京を使ってはじめて可能となった規模の計算

### 課題の成果について

多剤排出トランスポーター(AcrB)の紹介

抗生物質耐性をもつ細菌(多剤耐性菌)の細胞膜に存在するタンパク質。細菌に作用するはずの薬剤を能動的に細胞外へ排出してしまう。

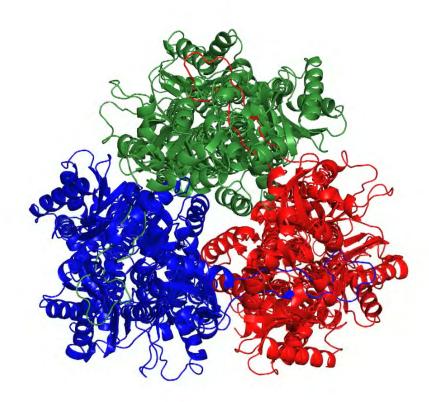


S. Murakami, et al., Nature 443, 173 (2006).

ホモ三量体、非対称構造

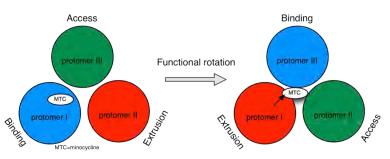
本課題の目的

結晶構造のモーフィング



これまでの研究から提出された薬剤排 出メカニズムの仮説

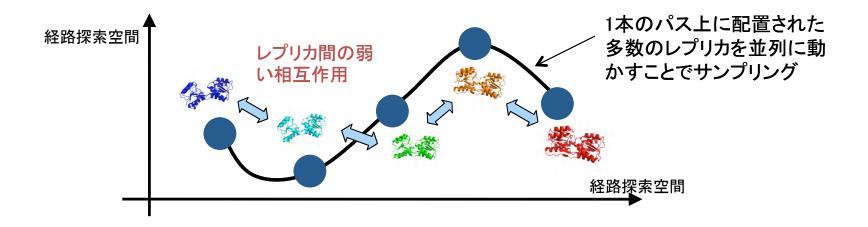
 3つの異なる状態が回転(機能回転) することで薬剤が能動輸送される



 2. 膜貫通領域におけるプロトン透過が 機能回転の原動力。それがペリプラ ズム側のドメインへ伝わって構造変 化を引き起こす

我々の目的: 薬剤を排出過程の全原子シミュレーションを行いこれらの仮説を検証 機能回転仮説の検証、プロトン化状態によるエナジェティクスの変化、薬 剤排出のボトルネックとなりうる相互作用を調べる

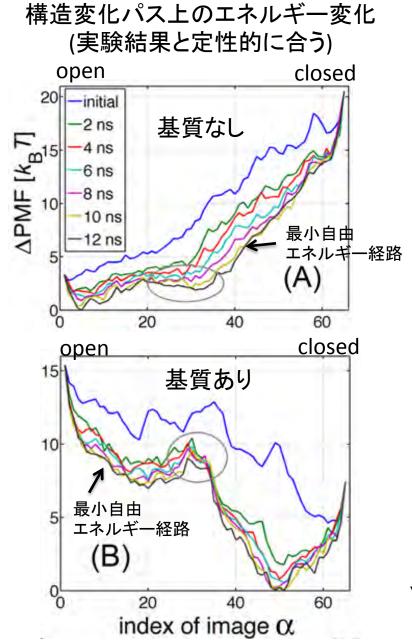
### 有限温度ストリング法による 最小自由エネルギー経路探索

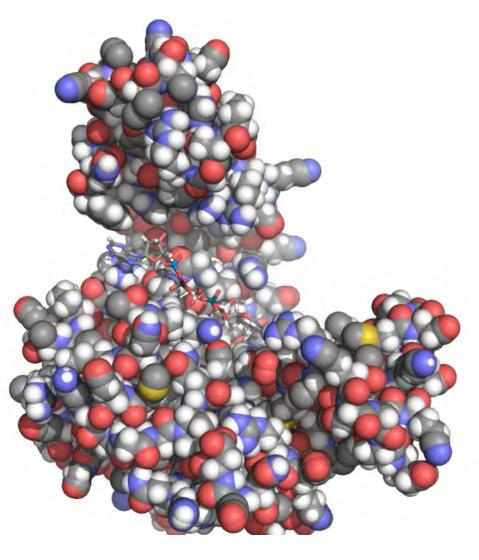


"ふつう"にシミュレーションするのではなく、始状態と終状態を繋ぐ 構造変化経路上に少しずつ構造の異なるコピー系を配置し、それら をまとめて動かすことで効率良くサンプリングする

高並列マシン(スパコン)があって初めて可能な手法

#### これまでの応用例:アデニル酸キナーゼの構造変化





Y. Matsunaga, et al., PLoS Comput. Biol. 8, e1002555 (2012).

今期の成果

前期:経路探索計算の準備

- 各100 nsの平衡サンプリング (MARBLEを使用)
- 平衡サンプリングデータから集団運動モードを 経路探索空間として抽出
- 10 nsのTargeted MDにより機能回転と薬剤排
   出の初期経路を作成(MARBLEを使用)
- 初期パス上の初期パス(100個のレプリカ)を1.4 ns かけて平衡化(mu2libを使用)

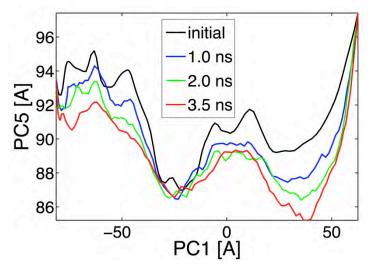
今期:経路探索と自由エネルギー評価

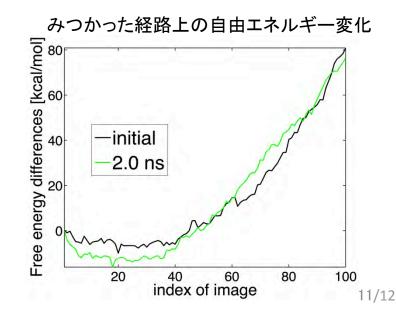
- 有限温度ストリング法による最小自由エネル ギー経路探索 各3.5 ns (mu2libを使用)
- みつかった経路上でのアンブレラサンプリング 1 ns ~ (mu2libを使用)

来期:引き続き経路探索と自由エネルギー評価

• データ解析(エネルギー・構造解析)

経路探索によるパスの計時変化





まとめ

- グランドチャレンジで開発してきた MARBLE と mu2libの互いの長所を生かして京で多剤排出トランスポーターの機能回転シミュレーションを実行している
- 今期は、有限温度ストリング法による最小自由エネルギー 経路探索と、みつかった経路上でのアンブレラサンプリング を行った
- 成果創出・加速枠を利用して、経路探索計算を加速することができた。また、アンブレラサンプリングにより自由エネルギーを定量的に評価している。
- 来期は特に、得られたデータのエネルギー・構造解析を行う